

Optical genome mapping met Bionano

Beschrijving van de test

Naam:	Optical genome mapping met Bionano
Synoniemen:	Optical genome mapping, OGM, Bionano
Aanvraag code:	17000
Aanvraagbrief:	AFAZFAB00005
Frequentie:	wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	Lijst waargenomen translocaties, fusies, herschikkingen: max. 3 weken. Volledige rapport: max. 5 weken
24u/24u:	Nee
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Barbara Cauwelier

Afname van het materiaal

Afname:	Beenmerg of perifeer bloed (indien voldoende ziekte invasie)
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	2 mL beenmerg, 2 mL bloed
Transportconditie:	Kamertemperatuur
Bewaarconditie:	Kamertemperatuur

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Diagnose acute leukemie max. 5 d. na afname; diagnose myeloma : max 2d na afname ; bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	Max. 5 d. na staalontvangst indien nog vers materiaal beschikbaar voor diagnose acute leukemie

Analyse

Analysemethode:	Optische genoom mapping met Bionano
IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	GenQA
Interpretatie:	Info: Moleculair karyotype o.b.v. Optische Genoom Mapping (OGM) – Bionano. Data analyse a.h.v. Guided assembly analysis en De Novo Assembly. OGM is een genoomwijde analyse, echter de minder goed gecoverde (sub)telomerische en (peri)centromerische regio's, worden niet weerhouden. Numerieke en structurele afwijkingen ≥ 5 Mbp, of kleiner (vanaf 300bp) indien klinisch belangrijke genen betrokken zijn in de regio, worden gerapporteerd, alsook complexe herschikkingen zoals bijvoorbeeld chromotripsis en chromoplexis. De gevoeligheid van het moleculair karyotype is 5% VAF voor structurele afwijkingen (dit komt neer op 10% afwijkende cellen bij heterozygote afwijkingen) en 10% VAF voor numerieke afwijkingen.

Tarificatie

Nomenclatuur:	535614 - 535625 B 1 RNAseq van acute myeloïde leukemie Bron: RIZIV website op 14/06/2026
	535850 - 535861 B 1 RNAseq van lymfoblastische leukemie/lymfoom (ALL/LBL) Bron: RIZIV website op 14/06/2026
	587871 - 587882 B 20000 Opsporen van submicroscopische genafwijkingen door middel van een complexe genoomwijde moleculair biologische methode in de diagnostische investigatiefase van een chronische lymfatische leukemie of een multiple myeloom #(Maximum 1) (Diagnoseregel 19) Bron: RIZIV website op 14/06/2026
	588453 - 588464 B 3000 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen (met uitsluiting van immuunglobuline- of een T-celreceptorgenherschikking), door middel van een moleculair biologische methode : in de diagnostische investigatiefase van een chronische lymfoïde aandoening (non-Hodgkin lymfoom, chronische lymfatische leukemie, multiple myeloom), exclusief een acute leukemie, Burkitt's lymfoom of T- of B- lymfoblastisch lymfoom en refractaire anemie mey blastnoverproductie (RAEB) (Diagnoseregel 1 , 6) Bron: RIZIV website op 14/06/2026

Laatst gewijzigd op

11-05-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.