

## RUNX1::RUNX1T1 kwantitatief

### Beschrijving van de test

Naam:	RUNX1::RUNX1T1 kwantitatief
Synoniemen:	AML1/ETO kwantitatief
Aanvraag code:	MOBI
Frequentie:	wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	2 weken
Accreditatie:	ISO 15189:2012 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

### Afname van het materiaal

Afname:	beenmerg
Toegelaten materiaal:	bloed
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	5 mL beenmerg, 7,5 mL bloed (volstaat voor alle aangevraagde DNA en RNA analyses)

### Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	max. 48u. na afname; niet afnemen of versturen op vrijdagmiddag; bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	max 48u na afname indien nog geen RNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds RNA beschikbaar

### Analyse

Analysemethode:	Real-time PCR.
IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	UKNEQAS
Interpretatie:	

De real-time PCR kwantificeert het RUNX1::RUNX1T1 (t(8;21), AML1/ETO) fusietranscript. De meetwaarde stelt een verhouding voor van het aantal mRNA molecules RUNX1::RUNX1T1 over het aantal mRNA molecules van het controlegen ABL1. De MRD-waarde normaliseert de meetwaarde ten opzichte van de meetwaarde van een gemiddeld diagnosestaal (%). De gevoeligheid van de analyse wordt weergegeven als de SENS-waarde (%) (=1 molecule fusietranscript/aantal gedetecteerde molecules ABL1 x 100), wat eenzelfde eenheid heeft als de MRD waarde (%). Deze test wordt enkel gebruikt bij follow-up van AML met RUNX1::RUNX1T1 genherschikking Een stijging of een daling met een factor 2 is technisch significant. Een stijging of een daling met een factor 10 is klinisch significant wat echter in het totale klinische beeld moet geïnterpreteerd worden.

## Tarificatie

Nomenclatuur: 535975 - 535986 B 1 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen (met uitsluiting van een immuunglobulinegenherschikking of een T-celreceptorgenherschikking), door middel van een moleculair biologische methode : in de diagnostische investigatiefase van een acute myeloïde leukemie of een myelodysplastisch neoplasm met verhoogde blasten in de diagnostische investigatiefase van een acute myeloblastische leukemie of refractaire anemie met blastenoverproductie (RAEB-2)  
Bron: RIZIV website op 01/04/2025

---

588571 - 588582 B 3000 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen door middel van een moleculair biologische methode als opvolging van een lymfoïde of myeloïde aandoening, met uitzondering van een chronische myeloïde leukemie, waarbij de betreffende afwijkingen in de diagnostische investigatiefase zijn vastgesteld, en waarbij een therapie met curatief doeleinde is ingesteld #(Maximum 1)  
(Diagnoseregel [9](#))  
Bron: RIZIV website op 01/04/2025

## Laatst gewijzigd op

29-01-2025  
global

Glims system