Contactgegevens:
T: 050/45 99 00
M: laboratorium.secretariaat@azsintjan.be

Panbacteriële identificatie via 16S nanopore sequenering

Beschrijving van de test

Naam:	Panbacteriële identificatie via 16S nanopore sequenering
Aanvraag code:	55055
Loinc:	66885-5
Frequentie:	1x/week
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	maximum 12 dagen
24u/24u:	NVT
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Marijke Reynders

Afname van het materiaal

Afname:	Microbiologische monsters (na telefonisch overleg met medisch microbioloog of infectioloog).
Toegelaten recipiënt:	Alle microbiologische recipiënten worden aanvaard indien klinisch aangewezen, inclusief hemoculturen.
Volume:	1 mL lichaamsvocht (of gemixt bioptje, in steriel recipiënt)
Transportconditie:	Gekoeld

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Correct en onbeschadigd recipiënt met duidelijke identificatiegegevens.
Bijaanvraag:	Indien het monster een correcte pre-analytische fase doorliep en veilig bewaard zit (zie bewaarcondities), is dit toegelaten.

Analyse

Analysemethode:	De methode bestaat uit PCR amplificatie van het volledige bacteriële 16S gen op een DNA extract, gevolgd door long-read sequencing met een Nanopore MinION sequencer. De

gegenereerde 16S sequenties worden vervolgens geanalyseerd met behulp van gespecialiseerde data-analyse software om de bacteriën die aanwezig zijn in het monster te identificeren.

IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	Ja
Interferentie:	Bij vermoeden van een infectie met atypische Mycobacteiën, contacteer de microbioloog voor bijkomende sequencing van het hsp65 target (hogere gevoeligheid en betere speciesdifferentiatie)
Interpretatie:	Het taxonomisch niveau van identificatie is afhankelijk van de variabiliteit van het 16S gen binnen het desbetreffend taxon. Rapportering op species niveau steeds onder voorbehoud, waarbij het meest waarschijnlijke species wordt gerapporteerd. Omwille van onvolledige primer complementariteit is deze test niet geschikt voor het opsporen van bacteriën binnen de orde Chlamydiales, en is er mogelijk verminderde gevoeligheid voor het genus Borrelia. Hiervoor kunnen echter wel gerichte PCR's worden gebruikt, tel 2603 bij hoge klinische verdenking. Een negatief sequencing resultaat sluit de aanwezigheid van bepaalde bacteriën niet uit. De test dient steeds te worden uitgevoerd in aanvulling op andere bacteriologische testen zoals kweek en specifieke PCR testen als agnostische screening voor een breed gamma aan bacteriële infecties. Resultaten worden steeds geïnterpreteerd door een medisch microbioloog op basis van het monstertype en de klinische context. Ref: Vanhee et al., Implementation of full-length 16S nanopore sequencing for bacterial identification in a clinical diagnostic setting. Diagn Microbiol Infect Dis. 2024 Feb;108(2):116156. doi: 10.1016/j.diagmicrobio.2023.116156.

Tarificatie

Nomenclatuur:	557071 - 557082 B 1000 Opsporen van infectieuze agentia in het bloed via moleculaire amplificatie bij allogene stamceltransplantatie patiënten # (Cumulregel 114) Bron: RIZIV website op 22/11/2026

Tarificatie buiten nomenclatuur

Prijs in euro:	128.00

Laatst gewijzigd op

01-09-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.