

## Hepatitis C virus genotypering

### Beschrijving van de test

|                            |                                |
|----------------------------|--------------------------------|
| Naam:                      | Hepatitis C virus genotypering |
| Aanvraag code:             | 55008                          |
| Loinc:                     | 92731-9                        |
| Frequentie:                | 1x/week                        |
| Uitvoerend labo:           | AZ Sint Jan                    |
| TAT:                       | 9 dagen                        |
| 24u/24u:                   | nee                            |
| Accreditatie:              | ISO 15189:2022 (379-MED)       |
| Verantwoordelijke bioloog: | dr. Marijke Reynders           |

### Afname van het materiaal

|                       |                       |
|-----------------------|-----------------------|
| Afname:               | Bloed                 |
| Toegelaten recipiënt: | EDTA-buis, Serum buis |
| Volume:               | 1 mL                  |

### Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

|              |  |
|--------------|--|
| Acceptatie:  | Correct en onbeschadigd recipiënt met duidelijke identificatiegegevens. Enkel monsters met een positieve HCV virale lading worden aanvaard. De virale lading dient op de aanvraagbrief vermeld te worden. Indien niet gekend, dan kan een kwantitatieve HCV test bij worden aangevraagd. |
| Bijaanvraag: | Indien het monster een correcte pre-analytische fase doorliep en veilig bewaard zit (zie bewaarcondities), is dit toegelaten.  |

### Analyse

|                 |   |
|-----------------|---|
| Analysemethode: | Nanopore sequencing van een deel van het variabele NS5b gen. Na RT-PCR wordt het fragment gesequenced op een Nanopore MinION en worden de gegeneerde sequenties |
|-----------------|---|

geanalyseer met gespecialiseerde software voor virale genotypering.

Deelname EKE: QCMD - Jaarlijks

Interferentie: Bij virale lading 10.000 IU/mL kan niet altijd een betrouwbaar genotype worden bepaald. De uiterst zeldzame genotypes 6 en 7 werden niet opgenomen in de validatie.

Interpretatie: HCV is erg heterogeen. Minstens elf HCV genotypes met tal van te onderscheiden subtypes werden geïdentificeerd doorheen de wereld. Deze diversiteit heeft verschillende consequenties: hoewel de verschillende stammen blijkbaar niet dramatisch onderling verschillen wat betreft hun virulentie of pathogeniciteit, zullen de diverse genotypes toch een variatie vertonen in hun mate van antwoorden op combinatietherapie met interferon/ribavirine gebaseerde schemas. Daarenboven hindert de uitgesproken heterogeniteit binnen HCV de ontwikkeling van een werkzaam vaccin. Vaccinale antigenen van multiple genotypes zullen noodzakelijk zijn voor globale protectie.

## Tarificatie

Nomenclatuur: 556754 - 556765 B 4000 Genotypering van het hepatitis C virus  
Bron: RIZIV website op 26/04/2026

## Tarificatie buiten nomenclatuur

Prijs in euro: 161.97

## Laatst gewijzigd op

04-03-2025