Contactgegevens:
T: 050/45 99 00
M: laboratorium.secretariaat@azsintjan.be

Panfungale identificatie via ITS nanopore sequenering

Beschrijving van de test

Naam:	Panfungale identificatie via ITS nanopore sequenering
Aanvraag code:	55057
Loinc:	105012-9
Frequentie:	1x/week
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	maximum 12 dagen
24u/24u:	NVT
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Marijke Reynders

Afname van het materiaal

Afname:	Microbiologische monsters (na telefonisch overleg met medisch microbioloog of infectioloog).
Toegelaten materiaal:	Alle microbiologische recipiënten worden aanvaard indien klinisch aangewezen, inclusief hemoculturen.
Volume:	1 mL lichaamsvocht (of gemixt bioptje, in steriel recipiënt)
Transportconditie:	Gekoeld

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Correct en onbeschadigd recipiënt met duidelijke identificatiegegevens.
Bijaanvraag:	Indien het monster een correcte pre-analytische fase doorliep en veilig bewaard zit (zie bewaarcondities), is dit toegelaten.

Analyse

Analysemethode:	De methode bestaat uit PCR amplificatie van een regio in het fungale ribsomale operon die zich uitstrekt over de volledige ITS-1, 5.8S en ITS-2 regio, tot en met de D1 en D2 regio van

het 28S operon. Na PCR volgt long-read sequencing met een Nanopore MinION sequencer. De gegenereerde sequenties worden vervolgens vergeleken met referentiedatabanken om de fungi die aanwezig zijn in het monster te identificeren.

IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	Ja
Interferentie:	De test is gevalideerd voor een (niet-limiterende) lijst van potentieel pathogene fungale species.Identifiatie van andere species is niet gegarandeerd, dus een negatief resultaat sluit de aanwezigheid van bepaald fungi niet uit.
Interpretatie:	Het taxonomisch niveau van identificatie is afhankelijk van de variabiliteit van de ITS regio binnen het desbetreffend taxon. Een negatief sequencing resultaat sluit de aanwezigheid van bepaalde fungi niet uit. De test dient steeds te worden uitgevoerd in aanvulling op andere mycologische testen zoals kweek en specifieke PCR en antigen testen als agnostische screening voor een breed gamma aan schimmelinfecties. Resultaten worden steeds geïnterpreteerd door een medisch microbioloog op basis van het monstertype en de klinische context. Ref: Vanhee et al., Evaluation of an amplicon-based nanopore sequencing test for fungal diagnostics.Diagn Microbiol Infect Dis . 2026 Nov;116(3):117583. doi: 10.1016/j.diagmicrobio.2026.117583.

Tarificatie

Nomenclatuur:	557071 - 557082 B 1000 Opsporen van infectieuze agentia in het bloed via moleculaire amplificatie bij allogene stamceltransplantatie patiënten # (Cumulregel 114) Bron: RIZIV website op 22/11/2026

Tarificatie buiten nomenclatuur

Prijs in euro:	128.00

Laatst gewijzigd op

31-08-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.