Contactgegevens:
T: 050/45 99 00
M: laboratorium.secretariaat@azsintjan.be

IGH V- exon hypermutatie status (Nanopore)

Beschrijving van de test

Naam:	IGH V- exon hypermutatie status (Nanopore)
Synoniemen:	hypermutatie hypermutatieanalyse VHsequencing
Aanvraag code:	MOBI
Frequentie:	3-wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	5 weken
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

Afname van het materiaal

Afname:	bloed, beenmerg
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	2 mL bloed, 2 mL beenmerg (volstaat voor alle aangevraagde DNA analyses)

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	max 21 dagen na afname indien nog geen DNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds DNA beschikbaar

Analyse

Analysemethode:	Nanopore DNA-sequentiebepaling
IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	Ja
Interpretatie:	Analyse volgens ERIC guidelines. Na amplificatie en sequentiebepaling van het volledig herschikte IgHV gen wordt de homologie met de kiembaan (germline) sequentie bepaald,

alsook de herschikte V, D en J exonen. CLL patiënten met een productieve herschikking met meer dan 98.0% kiembaanhomologie hebben een ongunstige prognose.

Tarificatie

Nomenclatuur:	587834 - 587845 B 8000 Bepalen van de hypermutatiestatus en VH-gebruik van het productieve immuunglobuline zware keten gen bij patiënten met een chronische lymfatische leukemie#(Maximum 1) (Cumulregel 2) (Diagnoseregel 18) Bron: RIZIV website op 22/11/2026

Laatst gewijzigd op

04-05-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.