Contactgegevens:
T: 050/45 99 00
M: laboratorium.secretariaat@azsintjan.be

RNAseq - eosinofilie panel

Beschrijving van de test

Naam:	RNAseq - eosinofilie panel
Aanvraag code:	MOBI
Aanvraagbrief:	AFAZFAB00005
Frequentie:	wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	3 weken
24u/24u:	nee
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

Afname van het materiaal

Afname:	Beenmerg
Toegelaten materiaal:	Perifeer bloed
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	5 mL beenmerg
Transportconditie:	Kamertemperatuur
Bewaarconditie:	Koelkast

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	max. 48u. na afname; niet afnemen of versturen op vrijdagnamiddag; bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	max. 48u na afname indien nog geen RNA beschikbaar. Max. 2 jaar na afname indien RNA reeds beschikbaar.

Analyse

Analysemethode:	RNA-Sequencing KAPA HyperPETE RNA workflow (Roche)
Deelname EKE:	Ja

Interpretatie:

De KAPA HyperPETE RNA workflow (Roche) wordt toegepast voor het opsporen van mogelijke genherschikkingen op RNA i.h.k.v. diagnose van myeloïde/lymfoïde neoplasme met eosinofilie. Het gebruikte custom panel, HEM_EFv2, is conform de richtlijnen van de RIZIV NGS conventie. De KAPA HyperPETE RNA workflow is een hybrid-capture based NGS techniek dewelke toelaat om zowel gekende als ongekende fusiepartners van de ondervermelde genen te detecteren. Classificatie van gedetecteerde genherschikkingen gebeurt volgens de Belgische ComPerMed richtlijnen en a.d.h.v online fusiedatabanken. Enkel (vermoedelijk) pathogene genherschikkingen en genherschikkingen met onbekende betekenis (VUS) worden gerapporteerd. Voor vrijgave van de resultaten wordt gestreefd naar minimum 5 fusiesupporting reads, 300.000 unieke reads en 1.3M mapped reads. De workflow wordt uitgevoerd na en geïnterpreteerd in combinatie met klinisch, hematologisch en beenmerg-morfologisch onderzoek.

HEM_EFv2 panel design: Gen en getargete exonen.

Gen	Exon(en)	Transcript
ABL1	2-3	NM_007313.2
BCR	1-23	NM_004327.3
CBFB	4-6	NM_022845.2
ETV6	1-8	NM_00987.4
FGFR1	3-5, 8-10	NM_001174067.1
FLT3	14-22	NM_004119.2
JAK2	4, 5, 12-18	NM_004972.3
MYH11	6-13	NM_001040114.1
PDGFRa	11-13	NM_006206.4
PDGFRb	10-13	NM_002609.3

Tarificatie

Nomenclatuur:

535872 - 535883 B 1 RNAseq van myeloïde/lymfoïde neoplasm met eosinofilie en tyrosine kinase genfusies
Bron: RIZIV website op 22/11/2026

Laatst gewijzigd op

15-09-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.