

Identificatie van mycobacteriën via hsp65 sequencing

Beschrijving van de test

Naam:	Identificatie van mycobacteriën via hsp65 sequencing
Aanvraag code:	55070
Loinc:	90306-2
Frequentie:	1x/week
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	maximum 12 dagen
24u/24u:	NVT
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Marijke Reynders

Afname van het materiaal

Afname:	Zie voorwaarden voor panbacteriële identificatie
Transportconditie:	Gekoeld
Bewaarconditie:	Koelkast

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Identificatie van mycobacteriën via hsp65 sequencing dient steeds aangevraagd te worden in combinatie met panbacteriële identificatie via 16S sequencing.
Bijaanvraag:	hsp65 kan bij aangevraagd worden wanneer via panbacteriële (16S) sequencing mycobacteria werden geïdentificeerd

Analyse

Analysemethode:	De methode bestaat uit PCR amplificatie van een deel van het hsp65 gen op een DNA extract, gevolgd door long-read sequencing met een Nanopore MinION sequencer. De verkregen sequentie wordt vergeleken met een referentiedatabank van mycobacteriële hsp65 sequenties.
-----------------	---

IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	Ja
Interpretatie:	Sequencing van het 16S gen is vaak onvoldoende voor species differentiatie van mycobacteria. Door bijkomend hsp65 sequencing uit te voeren bij aanwezigheid of vermoeden van mycobacteria wordt een hogere speciesresolutie verkregen. Bovendien is hsp65 sequencing vaak gevoeliger dan 16S sequencing voor het primair opsporen van mycobacteria in klinische monsters. hsp65 sequencing is echter niet geschikt voor brede bacteriële screening, en dient steeds uitgevoerd te worden in aanvulling op panbacteriële (16S) sequencing.

Tarificatie

Nomenclatuur:	550491 - 550502 B 1200 Identificatie van andere mycobacteriën dan Mycobacterium tuberculosis #(Maximum 1) (Diagnosereg ^{el} 123) Bron: RIZIV website op 04/10/2026
---------------	---

Laatst gewijzigd op

01-09-2026