

## BCR::ABL1 (kwalitatief)

### Beschrijving van de test

Naam:	BCR::ABL1 (kwalitatief)
Aanvraag code:	17060
Aanvraagbrief:	<a href="#">AFAZFAB00005</a>
Frequentie:	wekelijks of bij dringend staal
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	2 weken
TAT Dringend:	2 werkdagen
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

### Afname van het materiaal

Afname:	beenmerg, bloed
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	7,5 mL bloed, 5 mL beenmerg (volstaat voor alle aangevraagde DNA- en RNA-analyses).

### Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Max. 48u. na afname; niet afnemen of versturen op vrijdagmiddag; bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur.
Bijaanvraag:	Max. 48u na afname indien nog geen RNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds RNA beschikbaar.

### Analyse

Analysemethode:	Multiplex RT-PCR, agarose electroforese.
IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	UKNEQAS
Interpretatie:	

De BCR::ABL1 genherschikking is het moleculair equivalent van de t(9;22)(q34;q11). De gebruikte methode is een kwalitatieve multiplex RT-PCR die de frequente junctietypes (e13a2,e14a2 bij p210, e1a2 bij p190 en e19a2 bij p230) evenals andere zeldzame junctietypes aantoont (methode gebaseerd op Burmeister et al., Leuk Res 2008). De detectielimiet is 1 abnormale cel op 100 normale cellen. De BCR::ABL1 genherschikking is diagnostisch voor CML, BCR::ABL1+ (WHO klassificatie). Deze genherschikking komt ook voor bij B-cel lymfoblastisch leukemie/lymphoma: +/- 40% bij volwassenen en +/- 20% bij kinderen. Deze test wordt enkel gebruikt bij diagnose en niet als follow-up tenzij bij zeldzame breekpunten waarvoor geen real time kwantitatieve PCR beschikbaar is.

## Tarificatie

Nomenclatuur:	535990 - 536001 B 1 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen (met uitsluiting van immuunglobulinegenherschikking of een T-celreceptorgenherschikking), door middel van een moleculair biologische methode : in de diagnostische investigatiefase van een lymfoblastische leukemie/lymfoom Bron: RIZIV website op 26/04/2026
	588571 - 588582 B 3000 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen door middel van een moleculair biologische methode als opvolging van een lymfoïde of myeloïde aandoening, met uitzondering van een chronische myeloïde leukemie, waarbij de betreffende afwijkingen in de diagnostische investigatiefase zijn vastgesteld, en waarbij een therapie met curatief doeleinde is ingesteld #(Maximum 1) (Diagnoseregel <a href="#">9</a> ) Bron: RIZIV website op 26/04/2026
	594053 - 594064 B 3000 Opsporen van een verworven moleculaire afwijking met een predictieve waarde voor een therapeutisch antwoord op een farmaceutische specialiteit ingeschreven in hoofdstuk VIII van het koninklijk besluit van 1 februari 2018 door middel van een moleculair biologische methode in de diagnostische investigatiefase NIVEAU 2. (Cumulregel <a href="#">1</a> ) (Diagnoseregel <a href="#">1</a> , <a href="#">2</a> ) Bron: RIZIV website op 26/04/2026
	594075 - 594086 B 3000 Opsporen van een verworven moleculaire afwijking als opvolging voor het therapeutisch antwoord op een farmaceutische specialiteit ingeschreven in hoofdstuk VIII van het koninklijk besluit van 1 februari 2018 door middel van een moleculair biologische methode NIVEAU 2.

(Cumulregel [1](#)) (Diagnoseregel [3](#))  
Bron: RIZIV website op 26/04/2026

**Laatst gewijzigd op**

02-03-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.