

Hemavision

Beschrijving van de test

Naam:	Hemavision
Aanvraag code:	MOBI
Frequentie:	wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	2 weken
TAT Dringend:	2 dagen bij t(15;17) PML::RARA
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

Afname van het materiaal

Afname:	beenmerg
Toegelaten materiaal:	bloed
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	5 mL beenmerg, 8,5 mL bloed (volstaat voor alle aangevraagde DNA en RNA analyses)

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	max. 48u. na afname; niet afnemen of versturen op vrijdagmiddag; bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	max 48u na afname indien nog geen RNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds RNA beschikbaar

Analyse

Analysemethode:	Real-time PCR (HemaVision 28Q kit).
IVDR status:	CE-IVD test gebruikt volgens instructies fabrikant
Deelname EKE:	UKNEQAS
Interpretatie:	

Multiplex real time PCR (HemaVision 28Q kit) voor detectie van 28 genherschikkingen (met 145 breekpunt en spice varianten) die voorkomen bij acute leukaemie. Naast (zeer) zeldzame genherschikkingen kunnen meer frequente aangetoond worden: BCR::ABL1 - t(9;22), PML::RARalfa - t(15;17), RUNX1::RUNX1T1 - t(8;21), CBFB::MYH1 - inv(16), ETV6::RUNX1 - t(12;21), verschillende KMT2A (11q23) genherschikkingen. Gevoeligheid is ongeveer 1 abnormale cel op 1000 normale cellen. Deze test wordt enkel uitgevoerd bij diagnose van acute leukaemie en niet bij follow-up. Bepaalde genherschikkingen bepalen WHO entiteiten. Sommige genherschikkingen helpen prognose bepalen: zo zijn PML::RARalfa - t(15;17), RUNX1::RUNX1T1- t(8;21), CBFB::MYH1 - inv(16) en ETV6::RUNX1 - t(12;21) geassocieerd met een goede prognose en de KMT2A (11q23) genherschikkingen in het algemeen met een slechtere prognose. DEK::NUP214 - t(6;9) en KMT2A::MLLT4 - t(6;11) zijn duidelijk geassocieerd met een slechte prognose. Voor verdere informatie, zie WHO classificatie, bijsluiter kit en literatuur.

Tarificatie

Nomenclatuur: 588571 - 588582 B 3000 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen door middel van een moleculair biologische methode als opvolging van een lymfoïde of myeloïde aandoening, met uitzondering van een chronische myeloïde leukemie, waarbij de betreffende afwijkingen in de diagnostische investigatiefase zijn vastgesteld, en waarbij een therapie met curatief doeleinde is ingesteld #(Maximum 1) (Diagnoseregel [9](#))

Bron: RIZIV website op 01/08/2025

594075 - 594086 B 3000 Opsporen van een verworven moleculaire afwijking als opvolging voor het therapeutisch antwoord op een farmaceutische specialiteit ingeschreven in hoofdstuk VIII van het koninklijk besluit van 1 februari 2018 door middel van een moleculair biologische methode NIVEAU 2. (Cumulregel [1](#)) (Diagnoseregel [3](#))

Bron: RIZIV website op 01/08/2025

Laatst gewijzigd op

29-01-2025

Helena Devos