Contactgegevens:
T: 050/45 99 00
M: laboratorium.secretariaat@azsintjan.be

NGS Lymfoid Panel

Beschrijving van de test

Naam:	NGS Lymfoid Panel
Synoniemen:	NGS lymphoid lymfoid panel T lymfoom B lymfomen
Aanvraag code:	MOBI
Frequentie:	wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	3 weken
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

Afname van het materiaal

Afname:	Beenmerg, perifeer bloed
Toegelaten materiaal:	Biopt klier, weefselbiopt, FFPE
Toegelaten recipiënt:	EDTA, steriel recipiënt (biopt)
Volume:	2 mL beenmerg, 2 mL bloed (volstaat voor alle aangevraagde DNA analyses)

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	Bewaar bij 2-8°C (niet invriezen), Verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur. Indien overnacht bewaring biopt: fysiologisch water toevoegen
Bijaanvraag:	max 21 dagen na afname indien nog geen DNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds DNA beschikbaar

Analyse

Analysemethode:	Next generation sequencing - Targeted resequencing Qiagen QiaSeq Targeted DNA custom panel

IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	Ja
Interpretatie:	High throughput sequencing van 51 genen (Qiaseq lymfoid custom panel) betrokken in de pathogenese van zowel B als T lymfomen wordt aangewend voor diagnostische, prognostische en therapeutische oppuntstelling van ingewikkelde klinische lymfoom casussen na MOC bepreking en/of in overleg met een klinisch bioloog. Varianten tot een waargenomen allel frequentie van 2% worden gerapporteerd. De gevoeligheid van de analyse is minstens 5% allel frequentie voor substitutievarianten en kleine indels (25 bp). Grote indels vertonen een verminderde gevoeligheid. Deze analyse kan geen onderscheid maken tussen een verworven en een germline variant. Classificatie van varianten uit het ComPerMed genenpanel gebeurt volgens de Belgische richtlijnen, varianten uit de overige genen worden geclassificeerd a.d.h.v. VarSome en literatuur.

Volgende regio’s worden geanalyseerd:

Gen	Exon(en)	Transcript
ARID1A	1 - 20	ENST00000324856.7
B2M	1 - 3	ENST00000349264.6
BCL2	1 - 2	ENST00000398117.1
BIRC3	4 - 10	ENST00000532808.1
BRAF	15	ENST00000288602.6
BTK	15	ENST00000308731.7
CARD11	4 - 10	ENST00000396946.4
CCND1	1	ENST00000227507.2
CD28	1 - 4	ENST00000324106.8
CD58	1 - 6	ENST00000369489.5
CD79A	4 - 5	ENST00000221972.3
CD79B	5 - 6	ENST00000392795.3
CDKN2A	1 - 2	ENST00000361570.3
CREBBP	1 - 31	ENST00000262367.5
CXCR4	2 partieel (A307-S352)	ENST00000241393.3
DDX3X	1 - 17	ENST00000399959.2
DNMT3A	8 - 23	ENST00000321117.5
EP300	1 - 31	ENST00000263253.7
EZH2	2 - 20	ENST00000320356.2
FBXW7	8 - 10	ENST00000281708.4
FOXO1	1 - 2	ENST00000379561.5

Gen	Exon(en)	Transcript
GNA13	1 - 4	ENST00000439174.2
ID3	1 - 2	ENST00000374561.5
IDH2	4	ENST00000330062.3
JAK3	10 - 19	ENST00000458235.1
KLF2	1 - 3	ENST00000248071.5
KRAS	2 - 5	ENST00000311936.3
MAP2K1	2 - 3	ENST00000307102.5
MEF2B	2 - 9	ENST00000424583.2
MYC	1 - 3	ENST00000377970.2
MYD88	3 - 5	ENST00000417037.2
NFKBIE	1 - 6	ENST00000275015.5
NOTCH1	26, 27, 34	ENST00000277541.6
NOTCH2	34	ENST00000256646.2
NRAS	2 - 3	ENST00000369535.4
PIM1	1 - 6	ENST00000373509.5
PLCG1	1, 11, 29	ENST00000373272.2
PLCG2	19, 20, 22, 24, 26, 27	ENST00000359376.3
RHOA	2, 3	ENST00000418115.1
SF3B1	13 - 16	ENST00000335508.6
SOCS1	2	ENST00000332029.2
STAT3	19 - 21	ENST00000264657.5
STAT5B	14 - 17	ENST00000293328.3
STAT6	12 - 18	ENST00000300134.3
TCF3	16 - 18	ENST00000344749.5
TET2	3 - 11	ENST00000380013.4
TNFAIP3	2 - 9	ENST00000237289.4
TNFRSF14	1 - 8	ENST00000355716.4
TP53	2 - 11	ENST00000269305.4
TRAF2	2 - 11	ENST00000247668.2
XPO1	15, 19	ENST00000401558.2

Volgende regio's hebben frequent (in >30% van de stalen) een verminderde gevoeligheid. Deze bevatten geen hotspot mutatie: BIRC3 Exon 6, CD79A Exon 4, CREBBP Exon 11 en 21, JAK3 Exon 13, TRAF2 Exon 6

Tarificatie

Nomenclatuur:	535791 - 535802 B 1 NGS van chronische lymfatische leukemie Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	535835 - 535846 B 1 NGS van T-lymfoblastische leukemie/lymfoom (T-ALL-T/LBL-T) Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	535916 - 535920 B 1 NGS van T-?Large Granular Lymphocytic (LGL)? leukemia Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	535931 - 535942 B 1 NGS van lymfoplasmacytair lymfoom/Waldenström Macroglobulinemie Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	535953 - 535964 B 1 NGS van folliculair T-helper cel lymfoom Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	536196-536200 B 1 NGS van lymfoom met een onzekere diagnose Bron: RIZIV website op 22/11/2026
	588453 - 588464 B 3000 Opsporen van verworven chromosoom of genafwijkingen (met uitsluiting van immuunglobuline- of een T-celreceptorgenherschikking), door middel van een moleculair biologische methode : in de diagnostische investigatiefase van een chronische lymfoïde aandoening (non-Hodgkin lymfoom, chronische lymfatische leukemie, multiple myeloom), exclusief een acute leukemie, Burkitt's lymfoom of T- of B- lymfoblastisch lymfoom en refractaire anemie mey blastnoverproductie (RAEB) (Diagnoseregel 1, 6) Bron: RIZIV website op 22/11/2026

Laatst gewijzigd op

02-07-2026

Copyright © 2026 All rights reserved.