

IGH V-exon hypermutatie status (Sanger)

Beschrijving van de test

Naam:	IGH V-exon hypermutatie status (Sanger)
Synoniemen:	hypermutatie hypermutatieanalyse Vhsequencing
Aanvraag code:	MOBI
Frequentie:	4-wekelijks
Uitvoerend labo:	AZ Sint Jan
TAT:	5 weken
Accreditatie:	ISO 15189:2022 (379-MED)
Verantwoordelijke bioloog:	dr. Helena Devos

Afname van het materiaal

Afname:	bloed, beenmerg
Toegelaten recipiënt:	EDTA
Volume:	2 mL bloed, 2 mL beenmerg (volstaat voor alle aangevraagde DNA analyses)

Criteria voor aanvaarding of bijaanvraag

Acceptatie:	bewaar stalen bij 2-8°C (niet invriezen); verzending naar laboratorium mag bij kamertemperatuur
Bijaanvraag:	max 21 dagen na afname indien nog geen DNA beschikbaar, max 2 jaar na afname indien reeds DNA beschikbaar

Analyse

Analysemethode:	Sanger DNA-sequentiebepaling.
IVDR status:	LDT: in huis ontwikkelde in-vitro diagnostiek
Deelname EKE:	ERIC
Interpretatie:	Analyse volgens ERIC guidelines. Na amplificatie van het volledige herschikte IGHV gen, wordt de homologie met de kiembaan (germline) sequentie bepaald, alsook de herschikte

VDJ-exonen. CLL-patiënten met een productieve herschikking met 98.0% kiembaanhomologie hebben een ongunstige prognose.

Tarificatie

Nomenclatuur: 587834 - 587845 B 8000 Bepalen van de hypermutatiestatus en VH-gebruik van het productieve immuunglobuline zware keten gen bij patiënten met een chronische lymfatische leukemie#(Maximum 1) (Cumulregel [2](#)) (Diagnoseregel [18](#))
Bron: RIZIV website op 15/03/2026

Laatst gewijzigd op

29-01-2025